

## IBW2017大会日程

日期	上午	下午	晚上
8月4日	报到	报到	报到
8月5日	大会报告	大会报告	大会晚宴、专家-学生交流会
8月6日	大会报告	大会报告、PI交流会	PI晚宴

日期	时间	报告人	单位	报告题目	主持人	
8月4日	10:00-20:00	报到				
8月5日	7:30-8:30	报到				
	8:30-8:50	开幕式				蒋庆华
	8:50-9:10	Yi Xing	UCLA	Illuminating dark matters of the human transcriptome	Sheng Zhong	
	9:15-9:35	韩敬东	中科院马普所	Integrative data analysis for development and aging		
	9:40-10:00	Ying Xu	University of Georgia	Cell cycle in cancer cells		
	10:05-10:25	王亚东	哈尔滨工业大学	Challenges of analyzing big biological data		
	10:30-11:05	照相、茶歇				
	11:05-11:25	赵方庆	中科院北京生命科学研究院	Circular RNAs: composition, expression and evolution	Ying Xu	
	11:30-11:50	Ting Wang	Washington University	The evolution of human epigenomes		
	11:55-12:15	彭绍亮	国防科大	天河超级计算机上的生物医药大数据和机器人医生		
	12:20-14:00	自助午餐				
	14:00-14:20	高歌	北京大学	Accurately annotate genetic variants: what we learned from 1.1 PB omics data	Wei Li	
	14:25-14:45	Wei Wang	UCSD	Genomics and epigenomics		
	14:50-15:10	杨力	中科院马普所	Genome-wide characterization and evolutionary analysis of back-spliced circRNAs		
	15:15-15:40	茶歇				
	15:45-16:05	Jian Ma	CMU	New Algorithms to Decode Genome Organization	Jingdong Han	
	16:10-16:30	徐书华	中科院马普所	Identifying and prioritizing adaptive variants from whole-genome sequences of Tibetan highlanders		
	16:35-16:55	Yunlong Liu	Indiana University	Roles of alternative splicing in complex disease		
	17:00-17:10	Yixin Yao	Genome Biology期刊编辑	Genome Biology: making an impact		
17:30-19:30	大会晚宴				王亚东	
19:30-21:00	大会报告专家-学生交流会				蒋庆华 汪国华	
8月6日	8:50-9:10	Wei Li	Baylor College of Medicine	3'UTR Shortening Represses Tumor Suppressors in trans by Disrupting ceRNA Crosstalk	Liang Han	
	9:15-9:35	李亦学	中科院上海生命科学研究院	Genomic Analysis Reveals Hypoxia Adaptation in the Tibetan Mastiff by Introgression of the Grey Wolf from the Tibetan Plateau		
	9:40-10:00	Yun Li	University of North Carolina, Chapel Hill	Hugin: Hi-C Unifying Genomic Interrogator		
	10:05-10:30	茶歇				
	10:35-10:55	叶凯	西安交通大学	Systematic discovery of complex insertions and deletions in human cancers	Yixue Li	
	11:00-11:20	Sheng Zhong	UCSD	Systematic mapping of RNA-chromatin interactions in vivo		
	11:25-11:45	钱文峰	中科院遗传发育所	Genetic interaction network as a major determinant of gene order in the genome		
	11:50-14:00	自助午餐				
	14:00-14:20	张治华	中科院基因组所	Delta: An integrative analysis and visualization platform for 3D genome	Yunlong Liu	
	14:25-14:45	Han Liang	MD Anderson	The Pan-Cancer Analysis using TCGA and ICGC data		
	14:50-15:10	汪小我	清华大学	Regulation by competing: a hidden layer of gene regulatory networks		
	15:15-15:35	Xiaole Liu	Harvard Univiersty	Widespread B cell clonal expansions and related mechanisms of immune evasions in human cancers		
	15:40-16:00	闭幕式				蒋庆华
	16:00-18:00	自助晚餐（非PI）				
16:10-17:40	PI交流会				蒋庆华	
18:00-21:00	PI晚宴				王亚东	

### 温习提示

大会报告时长为20分钟，另加5分钟问答环节

主会场：友谊宫剧场

自助餐：友谊会堂三楼宴会厅

大会晚宴：友谊会堂三楼宴会厅

PI晚宴：哈尔滨铁路江上俱乐部

专家-学生交流会：友谊会堂4楼政务接待中心1号、2号会议室

PI交流会：友谊会堂4楼政务接待中心1号会议室

紧急联系人：蒋庆华，电话 13836019402

